



Paix – Travail – Patrie

REPUBLIC OF CAMEROON
Peace – Work – Fatherland

**CENTRE INTERNATIONAL DE RÉFÉRENCE "CHANTAL BIYA"
POUR LA RECHERCHE SUR LA PRÉVENTION ET LA PRISE EN CHARGE DU VIH/SIDA**

La Direction Générale

N° 2-2-27-7021 N/CIRCB/DG/LVI

Yaoundé, le 23 DEC 2021

Le Directeur General du CIRCB

A

Monsieur le Ministre de la Santé Publique

NOTE D'ALERTE CONFIDENTIELLE

"IDENTIFICATION DES PREMIERS CAS DE VARIANTSOMICRON AU CAMEROON "

Dans le cadre de la surveillance des variants de la COVID-19, le Centre International de Référence Chantal BIYA (CIRCB) a généré 101 séquences de SARS-CoV-2 à ce jour. Suivant les trois vagues de la pandémie, nos séquences virales issues de la première vague (04/2020 – 09/2020) étaient exclusivement des virus de la lignée d'origine de Wuhan (100%, 43/43), les séquences de la deuxième vague (10/2020 – 05/2021) étaient en majorité des variants **Alpha** (90%, 18/20), et les séquences de la troisième vague (06/2021 – 10/2021) étaient des variants **Delta** (100%, 35/35). Cette observation faite au CIRCB concorde avec l'évolution des variants du SARS-CoV-2 au niveau mondial.

Suivant la correspondance de la Présidence de la République (N°A263/SG/PR, du 16 décembre 2021) relative à la surveillance du nouveau variant, le CIRCB a identifié par séquençage et analyse phylogénétique **trois (3) cas du variantOMICRON** sur des cas positifs des 14 et 16 décembre 2021. Il s'agit des personnes de sexe masculin, ayant des charges virales élevées (valeurs seuils du gène N inférieure à 20), de symptomatologie variable, et dont deux proviennent de l'étranger (France et Algérie) et un vivant au Cameroun.

Caractéristiques des trois individus infectés par des variants «OMICRON».

N°	Code CIRCB - Date Provenance	Age et sexe	Symptomatologie et statut vaccinal	Mutations sur la protéine S du SARS-CoV-2	Charge virale (Valeur seuil)
1	(CIRCB_52096 - 14/12/2021) Douala, ayant séjourné au Tchad deux semaines avant le test PCR	43 ans Masculin	Symptomatique (fièvre, céphalée, arthralgie, gastro-entérites, éternuements) et non-vacciné	A67V; Δ69-70; T95I; G142D; Δ143-145; N211I; L212V_RE; V213P; R214E; G339D; R346K; S371L; S373P; S375F	Gene N: 19,5 Gene ORF: 22,0
2	(CIRCB_52161 - 16/12/2021) France	35 ans Masculin	Asymptomatique et vacciné	A67V; Δ69-70; T95I; G142D; Δ143-145; N211I; L212V_RE; V213P; R214E; G339D; S371L; S373P; S375F	Gene N: 10,0 Gene ORF: 17,0
3	(CIRCB_52267 - 16/12/2021) Algérie	41 ans Masculin	Information non renseignée	A67V; Δ69-70; T95I; G142D; Δ143-145; N211I; L212V_RE; V213P; R214E; G339D; S371L; S373P; S375F	Gene N: 16,0 Gene ORF: 19,7

NB : Ces cas d'OMICRON sont des échantillons tous précédemment considérés comme potentiel variant **Beta** par la technique PCR pour criblage des variants. En effet, sur 53 tests PCR pour criblage des variants au CIRCB, nous avons observé 22 (42%) potentiels **Beta**, 17 (32%) potentiels **Delta**, et 13 (25%) souches non-discriminés.

Le séquençage révèle que tout variant **Beta** (vu à près de 40% par criblage) serait des variants **OMICRON**. Suivant ce corolaire, **OMICRON** serait déjà en circulation importante au Cameroun, et contribuant aux nouveaux cas positifs. Le CIRCB apportera des informations actualisées, selon les données de séquences disponibles.



Le Directeur General

[Signature]